

راه اندازی کلکسیون هسته انار ایران و شناسایی ژنوتیپ‌های برتر



طرح ارزیابی ژرم پلاسما انار با استفاده از نشانگرهای مولکولی و مورفولوژیک به منظور تشکیل کلکسیون هسته ارقام و ژنوتیپ‌های مختلف انار ایران به صورت مشترک به همت محققان پژوهشگاه بیوتکنولوژی کشاورزی و موسسه تحقیقات علوم باغبانی و با حمایت مرکز تحقیقات جهاد کشاورزی و سازمان مدیریت و برنامه‌ریزی استان اصفهان اجرا شد.

به گزارش ایسنا، دکتر مهرشاد زین‌العابدینی، عضو هیات علمی پژوهشگاه بیوتکنولوژی کشاورزی و مجری مسؤول طرح با اعلام این مطلب خاطرنشان کرد: ایران با تولید سالانه ۹۰۰ هزار تن انار از لحاظ سطح کشت تجاری، میزان تولید و صادرات و همچنین مرغوبیت ارقام انار رتبه سوم جهان را به خود اختصاص داده است.

وی افزود: میزان تولید این محصول در کشور در حدود ۱۳ تن در هر هکتار است. ایران علاوه بر این که مرکز پیدایش و رویشگاه طبیعی این میوه با ارزش است، مرکز تنوع ارقام نیز بوده و غنی ترین مخازن ژنی انار جهان را دارد که لازم است ضمن حفظ و نگهداری این ثروت ملی و سرمایه طبیعی، برنامه های به نژادی و اصلاحی نیز در تحقیقات انار کشور مورد توجه قرار گیرند.

وی تصریح کرد: نبود اطلاعات جامع درباره ژنوتیپ های انار ایران و مشخصات مورفولوژیک و مولکولی و متابولیت های آنها ایجاب می کرد که برنامه جامعی به منظور بررسی و گزینش ارقام و ژنوتیپ های مختلف این گیاه و تشکیل کلکسیون هسته با روش های اصلاح کلاسیک و مولکولی اجرا شود.

زین العابدینی با اشاره به جمع آوری بیش از هزار ژنوتیپ مختلف انار از استان های مختلف کشور گفت: بهبود عملکرد، افزایش کیفیت و کاهش هزینه های تولید از طریق شناسایی ارقام مقاوم به آفات و بیماری ها و متحمل به تنش های غیرزیستی از اهداف اصلاح مولکولی انار است.

وی در عین حال از بین رفتن تنوع و فقدان اطلاعات ژنتیکی، دوره طولانی فرایند گزینش در اصلاح کلاسیک و محدودیت های آن، دشواری ارزیابی های مورفو فیزیولوژیک و پومولوژیک با روش های کلاسیک، دوره نونهالی نسبتا طولانی، اثر شرایط محیطی بر صفات و تاثیر آن بر روش های متداول اصلاحی را از مهمترین چالش های پیش روی محققان در روند اصلاح مولکولی انار عنوان کرد.

عضو هیات علمی پژوهشگاه بیوتکنولوژی کشاورزی خاطرنشان کرد: در روند تشکیل کلکسیون هسته، ارقام و ژنوتیپ های متنوع گردآوری شده از

کیفی، متابولیت‌های باارزش و پتانسیل ژنتیکی براساس داده‌های توالی‌یابی

ژنوم (GBS) ارزیابی و ارقام و ژنوتیپ‌های برتر انتخاب شدند.

بر اساس اعلام پژوهشگاه بیوتکنولوژی کشاورزی، وی تصریح کرد: ایجاد چنین

کلکسیون به کارآمد کردن کلکسیون پایه موجود و حفظ و بهبود مدیریت و

بهره‌برداری از آن در برنامه‌های اصلاحی و معرفی ارقام مورد نیاز کمک کرده و

به ایجاد بانک اطلاعاتی جامع از ژرم پلاسم‌های بررسی شده و ارائه شناسنامه

ژنتیکی ژنوتیپ‌های منتخب انار کشور منجر خواهد شد.